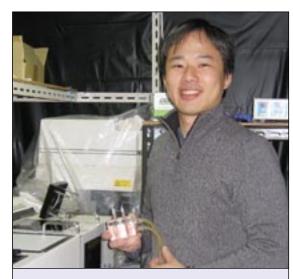
赤外差スペクトル法による膜貫通タンパク質の機能発現機構の研究



古谷 祐詞(准教授)

1999年京都大学理学部卒業 2001年同大学大学院理学研究科修士、2004年博士課程修了 博士(理学) 2003~2005年学術振興会特別研究員、2006~2008年名古屋工業大学大学院工学研究科助手、助教を経て2009年3月より現職

TEL: 0564-55-7330 FAX: 0564-55-7439 電子メール: furutani@ims.ac.jp

界面を隔てた情報伝達と物質輸送を実現する膜貫通 タンパク質

細胞は、外界からの刺激に応答するためのセルセンサーや恒常性維持に重要なチャネル、トランスポーター等の膜貫通タンパク質を発現している。これらは外界からの情報や物質を細胞内に伝達したり、異物を細胞外に排除したり、膜電位やプロトン濃度勾配を形成し、ATPなどのエネルギー物質を生産したりするなど、細胞の生存に欠かせない精巧な分子機械としてはたらいている。

このような膜貫通タンパク質が機能発現する分子

メカニズムの解明には、基 質や補酵素となるイオンや 分子との相互作用に関する 原子レベルでの構造情報が 必要である。一般的に膜貫 通タンパク質の構造解析は 困難であり、Protein Data Bank への登録比率は 1.9% (2008年9月現在)にす ぎない。また、得られた構 造についても水素原子が見 えないため、イオンの配位 構造や分子内、分子間水素 結合構造などの情報が不足 している。このような機能 発現に重要な役割を果たす 部分構造を、赤外差スペク トル法を活用することで明

らかにし、膜貫通タンパク質の機能発現機構に迫る ことを目的に研究を進めている。

イオン結合に伴う赤外差スペクトルの計測

赤外差スペクトル法はロドプシンや光合成タンパ ク質などの光受容タンパク質では盛んに研究が行わ れ、その分子メカニズムの解明に大いに役立てられ ている。私自身も前任地にて古細菌型ロドプシンに 対する研究を行い、光駆動プロトンポンプに重要な 役割を果たす強い水素結合を形成した水分子を見い だしたり、¹⁾ 光センサー機能のスイッチとしてはた らくレチナール - スレオニン残基間の相互作用変化 を明らかにしたりした。2)また、全反射赤外分光法 により、光ではなく、イオン結合による赤外差スペ クトルを計測することで、塩化物イオン結合に伴う アスパラギン酸のプロトン化を検出した。3) この手 法は、KcsA などのイオンチャネル、V 型 ATPase などのトランスポーターにも適用できる手法であ り、現在、研究を進めている段階である。さらに、 ケージド化合物やストップトフロー法を活用するこ とでマイクロ秒程度の時間分解計測を目指し、X線 結晶構造からは見えてこない膜貫通タンパク質のダ イナミックな分子実態に迫りたいと考えている。

参考文献

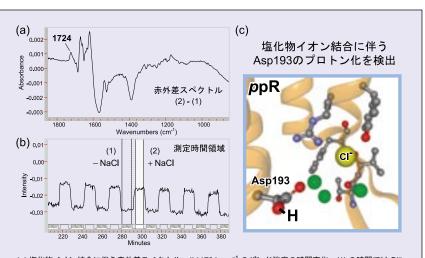
- Y. Furutani, M. Shibata and H. Kandori, "Strongly Hydrogen-Bonded Water Molecules in the Schiff Base Region of Rhodopsins," *Photochem. Photobiol. Sci.* 4, 661–666 (2005).
- Y. Sudo, Y. Furutani, J. L. Spudich and H. Kandori, "Early Photocycle Structural Changes in a Bacteriorhodopsin Mutant Engineered to Transmit Photosensory Signals," *J. Biol. Chem.* 282, 15550–15558 (2007).
- Y. Kitade, Y. Furutani, N. Kamo and H. Kandori, "Proton Release Group of *pharaonis* Phoborhodopsin Revealed by ATR-FTIR Spectroscopy," *Biochemistry* 47, 6208–6215 (2008).

域 構造分子科学専攻

車

門

領



(a) 塩化物イオン結合に伴う赤外差スペクトル。(b)1724 cm⁻¹ のパンド強度の時間変化。(1) の時間では Cl⁻を含まない緩衝液、(2) の時間では Cl⁻を含まない緩衝液、(2) の時間では Cl⁻を含む緩衝液が流されているので、このシグナルは Cl⁻イオン結合に伴うスペクトル変化と結論づけられる。また、変異体を用いることにより、Asp193 のプロトン化カルボン酸に帰属した。(c)X 線結晶構造では Asp193 のプロトン化状態は不明であるが、赤外差スペクトル法によりプロトン化していることが明らかとなった。